

PROTEOMİKS HİZMETLERİ

- Protein örneklerinin hazırlanması
 - C₁₈ ZipTip yada moleküler kütle membran filtreleri ile örnek tuzlarının temizlenmesi
 - Plazma örneklerinden yüksek konsantrasyondaki proteinlerin immündepleyasyon ile ayrıştırılması
 - Nitrosolanmış proteinlerin “Biotin-Switch” metodolojisi ile fraksiyonlanması
 - Fosfatlanmış proteinlerin TiO₂ kromatografisi ile ayrıştırılmaları
 - RapiGest deterjanı ile denaturasyon ve triptik peptitlerin hazırlanması
 - Jel yada solüsyonda protein indirgeme ve alkilleme
- Protein tanımlama
 - Çözelti içinde yada jelden kesilen spotlardan ekstrakte edilen proteinlerin Identity^E ve DDA metodolojileri ile tanımlanması
 - PLGS, Mascot ve XITandem arama motorları ile protein tanımlama
- Protein ifade farklılıkları analizi
 - Karmaşık örnekler için 1D-LC RP, 2D-LC SCX-RP, 2D-LC LIEF-RP kromatografik ayrıştırma yöntemleri
 - Biyobelirteçlerin etiketsiz LC-MS/MS metodoloji ile keşfedilmesi
 - Etiketsiz LS-MS^E biyobelirteç keşif platformu
 - iTRAQ, ICAT, SILIC multipleks metotları
- Protein saflığı tayini
- Protein ve peptit moleküler ağırlık tayini
 - LC/ESI/MS ile hızlı moleküler ağırlık hesaplamaları
- Translasyon sonrası modifikasyon taramaları
 - Nitrosilasyon
 - Fosforilasyon

